

ID	Sequence	Mutated position	Binding affinity
1	CTGATGGCC (WT)		+++
2	CcacTGGCC	2-4	-
3	CcGATGGCC	2	+
4	CaGATGGGT	2	+
5	CgGATGGGT	2	+
6	CTaATGGCC	3	+++
7	CTtATGGCC	3	+
8	CTcATGGCC	3	-
9	CTGcTGGCC	4	-